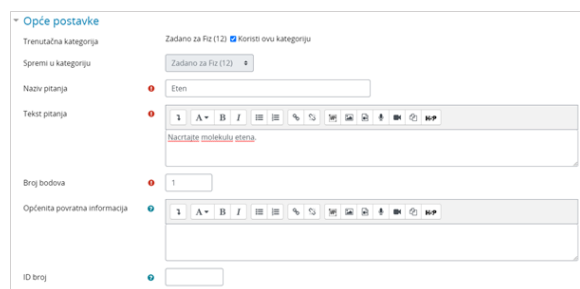


Merlin 21/22 Usporedba odgovora - molekulske strukture

Pattern match s uređivačem molekulskih struktura spaja opcije odgovora Pattern match s JavaScript Molecular Editorom. Omogućava studentima crtanje odgovora. Editor je u mogućnosti konvertirati 2D (u stvarnosti 3D) strukture molekula u takozvani SMILES niz znakova. Na taj način se uspoređuje niz znakova dobiven konverzijom s odgovorima koje je nastavnik upisao.

Opće postavke

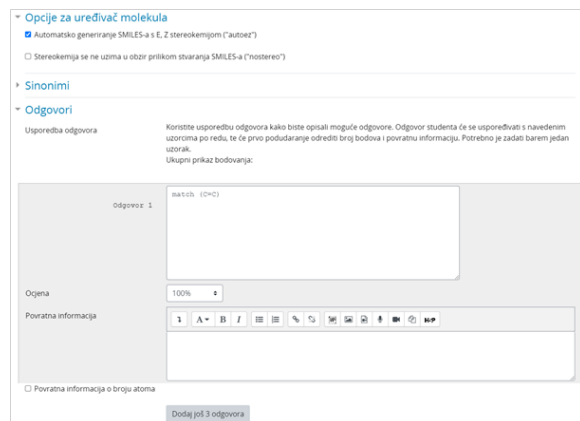


Slika: Opće postavke pitanja Usporedba odgovora - molekulske strukture

U sekciji **Opće postavke** moguće je urediti sljedeće postavke:

- **Kategorija** - Ako je nastavnik izradio kategoriju, moguće je odabrati željenu kategoriju unutar koje će se spremiti pitanje. U slučaju da se ne odabere neka druga kategorija, pitanje će se spremiti pod zadanu kategoriju.
- **Naziv pitanja** - U ovo polje upisuje se naziv pitanja koji će biti vidljiv samo nastavnicima.
- **Tekst pitanja** - U polje tekst pitanja upisuje pitanje koje će studenti vidjeti.
- **Broj bodova** - Ova postavka predstavlja broj bodova koliko nosi trenutno pitanje ako se točno na njega odgovori.
- **Općenita povratna informacija** - Ovu informaciju student dobije nakon što odgovori na postavljeno pitanje, bez obzira da li je odgovor ispravan ili ne.

Postavke za odgovor



Slika: Postavke za odgovor

Prilikom izrade odgovora moguće je urediti sljedeće postavke:

- **Opcije za uređivač molekula**

- Sinonimi
- Odgovori

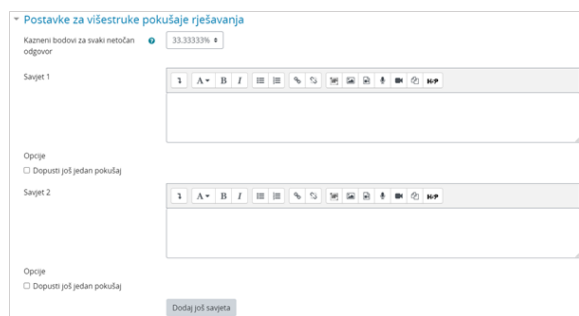
Postoje dvije opcije uređivača molekula:

- **Automatsko generiranje SMILES-a s E, Z stereokemijom ("autoez")** – odabirom ove opcije, prilikom crtanja se u obzir uzima stereokemija, odnosno prilikom generiranja SMILES-a, kod će sadržavati elemente stereokemije
- **Stereokemija se ne uzima u obzir prilikom stvaranja SMILES-a ("nostereo")** – stereokemija se ne uzima u obzir prilikom stvaranja SMILES niz znakova

Sinonimi - Ovom opcijom moguće je definirati sinonime.

Odgovori - U svako prikazano polje unosi se formula napisana u SMILES formatu. Više o pisanju formula može se naći na sljedećoj [poveznici](#). Na sljedećoj [poveznici](#) možete nacrtati traženu molekulu te dobiti njen kod koji je zatim moguće kopirati na sustav Merlin. Prvi upisan odgovor mora biti onaj koji je u potpunosti točan. Također je prvi upisani odgovor baza za Povratnu informaciju o broju atoma. Odabirom mogućnosti **Povratna informacija o broju atoma** moguće je provjeriti broj atoma u navedenom izrazu, te se tako uspoređuje broj atoma u odgovoru studenta s brojem atoma napisanim u odgovoru. Ukoliko se broj atoma ne podudara ni s jednim mogućim odgovorom, tada će student dobiti odgovor napisan u polju **Bilo koji drugi odgovor** koji vrijedi 0 % (odnosno, odgovor je Netočan).

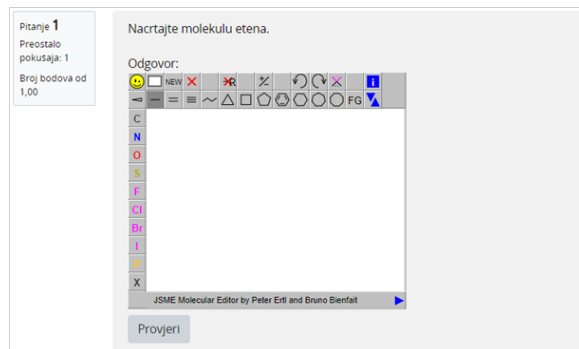
Postavke – Ostalo



Slika: Postavke za višestruke pokušaje rješavanja

Za ovu vrstu pitanja koriste se sljedeće postavke:

- **Postavke za višestruke pokušaje rješavanja** – Omogućuje umanjivanje ostvarenih bodova ukoliko se pitanje ponovno rješava. To se odnosi se samo za to pitanje kad se koristi u testu pomoću adaptivnog moda - odnosno, gdje je studentu dopušteno više pokušaja po pitanju čak i unutar istog pokušaja u testu. Ako je faktor kazne viši od 0, tada student gubi taj udio maksimalne ocjene nakon svakog uzastopnog pokušaja. Na primjer, ako je zadana ocjena za pitanje 10, a faktor kazne iznosi 0.2 (20%), zatim za svaki sljedeći pokušaj nakon početnog puta će nastati kazna od $0,2 \times 10 = 2$ boda.



Slika: Primjer pitanja Usporedba odgovora - molekulske strukture

