

Prank

blocked URL

Opis

PRANK je probabilistički program višestrukog usklađivanja za DNA, kodone i sekvence aminokiselina. Temelji se na novom algoritmu koji ispravno tretira umetanja i izbjegava pretjeranu procjenu broja događaja brisanja. Osim toga, PRANK posuđuje ideje iz metoda maksimalne vjerojatnosti koje se koriste u filogenetici i ispravno uzima u obzir evolucijske udaljenosti između sekvenci. Na kraju, PRANK omogućuje definiranje potencijalne strukture za sekvence koje treba poravnati, a zatim, istovremeno s poravnanjem, predviđa položaje strukturnih jedinica u sekvencama.

Verzije

Verzija	Modul	Supek	Padobran
1.70427	scientific/prank/1.70427		

Službena dokumentacija

- <https://github.com/ariloytynoja/prank-msa?tab=readme-ov-file#using-prank>

Primjer

- Program koristi jednu dretvu
- Potrebno je više RAM-a odabrati
- Potrebno je napraviti export TMPDIR zbog privremenih podataka

prank-example.pbs

```
#!/bin
/bash

#PBS -N prank-
example
#PBS -q
cpu

#PBS -l select=1:ncpus=1:
mem=10GB

cd
$PBS_O_WORKDIR

module load scientific/prank/1.
70427

export
TMPDIR=$PBS_O_WORKDIR

prank.sh prank input.fasta
```