

PAML

Opis

PAML je programski paket za prilagođavanje modela i rekonstrukciju filogenetskog stabla korištenjem podataka o sekvencama DNK i proteina. Programi su napisani u ANSI C.

Dostupne verzije

Verzija	Modul	Supek	Padobran
4.10.7	scientific/paml/4.10.7	✗	✓

Službena dokumentacija

- <http://abacus.gene.ucl.ac.uk/software/paml.html>

Primjer

- Primjer: <https://github.com/abacus-gene/paml/tree/master/examples/TipDate.FluH1>

```
#!/bin/bash

#PBS -N paml-test
#PBS -l select=1:ncpus=2
#PBS -q cpu

cd $PBS_O_WORKDIR

module load scientific/paml/4.10.7

paml.sh mcmctree mcmctreeClock1.ctl
```