

iqtree



Opis

Brz i učinkovit stohastički algoritam za procjenu filogenije s maksimalnom vjerojatnošću

Dostupne verzije

Verzija	Modul	Supek	Padobran
2.2.6	scientific/iqtree/2.2.6	✗	✓

Službena dokumentacija

- <https://github.com/Cibiv/IQ-TREE/wiki>

Primjer

- Primjer je preuzet sa:
 - <https://github.com/Cibiv/IQ-TREE/tree/master/example>

```
#!/bin/bash

#PBS -N iqtree-test
#PBS -l select=1:ncpus=12:mem=10GB
#PBS -q cpu

cd $PBS_O_WORKDIR

module load scientific/iqtree/2.2.6

iqtree.sh iqtree -T $NCPUS -s example.phy
```