

BUSCO

[blocked URL](#)

Opis

BUSCO (Benchmarking Universal Single-Copy Orthologs) pruža mjere za kvantitativnu procjenu sklopa genoma, skupa gena i potpunosti transkriptoma na temelju evolucijski informiranih očekivanja sadržaja gena iz gotovo univerzalnih ortologa s jednom kopijom.

Dostupne verzije

Verzija	Modul	Supek	Padobran
5.6.1	scientific/busco/5.6.1		

Službena dokumentacija

- https://busco.ezlab.org/busco_userguide.html#running-busco

Primjer

- Primjer je skinut sa
 - https://gitlab.com/ezlab/busco/-/tree/master/test_data/bacteria?ref_type=heads

```
#!/bin/bash

#PBS -N busco-test
#PBS -l select=1:ncpus=12:mem=20GB
#PBS -q cpu

cd $PBS_O_WORKDIR

module load scientific/busco/5.6.1

busco.sh busco -i genome.fna -c $NCPUS -m geno -f --out test_bacteria
```