

MrBayes

Opis

MrBayes je program za Bayesovo zaključivanje i izbor modela u širokom rasponu filogenetskih i evolucijskih modela. MrBayes koristi metode Markovljevog lanca Monte Carlo (MCMC) za procjenu posteriorne distribucije parametara modela.

Dostupne verzije

Verzija	Modul	Supek	Padobran
3.2.7a	scientific/MrBayes/3.2.7a	✗	✓
3.2.5	scientific/MrBayes/3.2.5	✗	✓

Primjer korištenja

- Primjeri dolaze sa samim programom i nalaze se u `/apps/scientific/mrbayes/3.2.7a/share/examples`
- mb je inače serijski program, kompajlan je sa mpi-em kako bi paralelizirali poslove

mb.pbs

```
#!/bin/bash

#PBS -N mb-test
#PBS -l select=1:ncpus=2:mem=10GB
#PBS -j oe

cd $PBS_O_WORKDIR

module load scientific/MrBayes/3.2.7a

mpiexec mb hymfossil.nex
```