

fastp

Opis

Alat dizajniran za pružanje brze sveobuhvatne predobrade za FastQ datoteke. Ovaj je alat razvijen u C++ s podržanom višenitnošću kako bi se omogućile visoke performanse.

Dostupne verzije

Verzija	Modul	Supek	Padobran
0.23.4	scientific/fastp/0.23.4		

Korištenje

fastp-simpleuse

```
#!/bin/bash

#PBS -N fastp-ex
#PBS -l ncpus=8
#PBS -q cpu

cd $PBS_O_WORKDIR

module load scientific/fastp/0.23.4

fastp -W $NCPUS -i R1.fq -I R2.fq -i out_R1.fq -I
out_R2.fq
```