

Bionano Solve

Aplikacija i dokumentacija nalazi se na web stranicama [Bionano Genomics](#).

Dostupne verzije:

Verzija	Modul
3.6.1	bionano-solve/3.6.1
3.7	bionano-solve/3.7_20221013_25

Primjer korištenja

Aplikacija se pokreće u Singularity kontejneru i potrebno je koristiti *bionano* wrapper nakon čega slijedi *naredba*. Popis naredbi nalazi se u dokumentaciji na [web stranicama Bionano Genomics](#).

Naredbe kojima je potrebna veća količina radne memorije koristite red **vsmp.q**, paralelna okoline **vsmp**. Prilikom pokretanja naredbi nije potrebno definirati opciju **-C**.

bionano_posao.sge

```
#!/bin/bash
#$ -N bionano
#$ -cwd

module load bionano-solve/3.6.1
bionano perl /home/bionano/tools/pipeline/1.0/cohortQC/1.0/filter_SNR_dynamic.pl --help
bionano /home/bionano/tools/pipeline/1.0/RefAligner/1.0/avx/RefAligner --help
bionano python3.7 /home/bionano/tools/pipeline/1.0/Pipeline/1.0/align_bnx_to_cmap.py --help
bionano perl /home/bionano/tools/pipeline/1.0/cohortQC/1.0/MQR.pl --help
```

```
qsub bionano_posao.sge
```