

Clustal Omega

Verzija	Modul
1.2.4	bioinfo/ClustalOmega/1.2.4

Korištenje

Primjeri su preuzeti s: <http://www.clustal.org/omega/homfam-20110613-25.tar.gz>



Napomena

Program Clustal Omega zadano uzima sve dostupne procesore, stoga je potrebno ograničiti sa opcijom **--thread** pri korištenju.

simple align

```
#!/bin/bash
#$ -N ClustalO-test
#$ -cwd
#$ -pe *mpisingle 8

module load bioinfo/ClustalOmega/1.2.4

clustalo -i bench/tms_test-only.vie -o tms_test-only.a2m -v --threads $NSLOTS
```

Instalacija

Instalacija je provedena sa prevodiocem: **intel/2020**

Prije same instalacije instaliran je argtable-devel.x86-x64

Instalacija

```
wget https://github.com/GSLBiotech/clustal-omega/archive/refs/tags/1.2.4-cmake.tar.gz
tar -xvf 1.2.4-cmake.tar.gz
cd clustal-omega-1.2.4-cmake
mkdir build
module load intel/2020
export PATH=$PATH:/usr/include:/usr/lib64 #Putanje do potrebnih knjižnica za argtable2
./configure CC=icc CXX=icpc --prefix=$HOME/clust/1.2.4-cmake/build
make
make install
```