

# Gatk4

Na računalnom klasteru dostupan je set alata GATK4 verzija 4.2.6.1

Popis dostupnih alata za ovu verziju dostupan je na [službenim stranicama](#).

## Korištenje

Dostupne verzije i pripadajući moduli:

Verzija	Modul
4.2.6	bioinfo/gatk4/4.2.6

## Primjer korištenja

### indeksiranje.sge

```
#!/bin/bash
#$ -N testni_posao
#$ -cwd
#$ -q a12.q 1
module load bioinfo/gatk4/4.2.6
gatk --java-options "-Xmx8G" HaplotypeCaller -R reference.fasta -I input.bam -O output.vcf
```

S obzirom da veliki broj alata nema mogućnost kontrole broja jezgara koji se koristi, poslovi se šalju kao serijski.



### Napomena za više dretvene poslove

Kod korištenja alata koji imaju mogućnost korištenja više dretvi ili više jezgara obavezno je korištenje mpisingle okoline s obzirom da gatk4 nema mogućnost širenja van jednog radnog čvora. Također, bitno je navoditi da se koristi jednak broj jezgara koji je i tražen u skripti za podnošenje poslova.